细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

电话:400-688-9033
邮箱:info@ubigene.com
地址:广州市黄埔区瑞吉二街45号京广协同2号楼A栋12楼

一、细胞名称：Hepa 1-6

二、检测方法：用 Axygen 的基因组抽提试剂盒提取 DNA，采用 20- STR 扩增方案扩增，在 ABI 3730XL 型遗传分析仪上对 STR 位点进行检测。

三、样本基因分型结果：

细胞的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果							
Loci	送检细胞 STR 信息				细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名：Hepa 1-6 zky				细胞库细胞名：Hepa 1-6		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele4	Allele1	Allele2	Allele3
3-18	16.0	17.0	18.0		16.0	17.0	18.0
4-2	18.3	19.3			18.3	19.3	
6-7	15.0				15.0		
2-19	10.0	11.0			10.0	11.0	
1-2	13.0				13.0		
7-1	25.2				25.2		
8-1	15.0	16.0			15.0	16.0	
1-1	14.0	15.0			14.0	15.0	16.0
3-2	10.0				10.0		
2-1	14.0				14.0		
3-15	17.0	18.0	19.0		17.0	18.0	19.0
6-4	18.0	19.0			18.0	19.0	
1-13	17.2				17.1		
11-2	16.0				16.0		
2-17	14.0				14.0		
12-1	17.0				17.0		
5-5	17.0				17.0		

X-1	25.0				25.0		
TH01							
D5S818							

备注：细胞系与收录于 ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN 数据库的细胞系 STR 数据进行比对，未收录于以上细胞库的细胞系将无法匹配。上述位点中 D5S818 和 TH01 为人源位点，用于检测该细胞是否有人源污染。

四、结论：该株细胞鉴定结果为小鼠细胞系，**Hepa 1-6** 细胞 STR 分型结果与 **EXPASY** 数据库 **Hepa 1-6** 细胞系基因型一致，细胞号对应 **CVCL_0327**，STR 分型结果**完全匹配**。本次检测在该细胞系中**发现多等位基因，无交叉污染，无人源污染**。

五、附图


Applied Biosystems
GeneMapper ID v3.2
20210719shu
Sample File
Sample Name
Panel
SQO
OS
SQ
70_F09_CellLineAuthentication-2-0720.fsa
HEpa1-6
SHU-1
18-3
4-2
6-7
151.10 4466 47959
155.50 763 12953
229.00 2689 26138
233.12 1162 14621
345.94 782 11059
9-2
220.65 1521 15729
86_F11_CellLineAuthentication-2-0720.fsa
SHU-2
12-1
5-5
X-1
229.12 30636 298193
347.54 1842 19558
399.97 1545 16550
15-3
8-4
D4S2408
176.95 2452 19999
181.02 2463 21930
185.08 2361 20131
299.48 2896 29995
303.51 1772 18366
Wed Jul 28,2021 03:41PM, GMT+08:00
Printed by: gmid
Page 1 of 1